

## SEQUENCE LISTING

<110>	Koizumi, Makoto	
<120>	Method of Detecting Genetic Polymorphism	
<130>	06189/нд	
<150> <151>	PCT/JP2004/016715 2004-11-04	
\1J1>	2004-11-04	
<160>	10	
<170>	PatentIn version 3.1	
<210>	1	
<211>	20	
<212>	DNA	
<213>	Homo sapiens	
<220>		
<221>		
<222>		
<400>	1	
	gagc attgaggete	20
		20
<210>	2	
<211>	20	
<212>	DNA	
<213>	Homo sapiens	
<220>		
	allele	
	(20)(20)	
	C is transitioned to T	
<b>\223</b> /	C is transitioned to i	
<400>	2	
cactgg	gagc attgaggett	20
<210>	3	
<211>	28	
<212>	DNA	
<213>	Mus musculus	
<220>		
<221>	allele	
	(28)(28)	
<2223	C is transitioned to T	
16637	C 15 Clausicioned to 1	
<400>	3	
atctgto	tac atatatata acacacat	28

<210> <211> <212> <213>	DNA	
<400> atctgt	4 ctac atatatac acacacac	28
<210><211><211><212><213>	18 DNA	
	5 aggc tgtgaccg	18
<210> <211> <212> <213>	25 DNA	
	6 agac tactgettae tgtee	25
<210> <211> <212> <213>	25	
<220> <223>	primerE	
	7 tact gctacttcac atgtg	25
<210><211><211><212><213>	8 25 DNA Artificial	
<220> <223>	primer F	
<400> catgtc	8 tact gctacttcac atgta	25
<210> <211> <212> <213>	9 25 DNA Artificial	
<220>		

<223>	primer G	
<400> catgto	9 Stact gctacttcac atggg	25
<210><211><212><213>	25	
<220> <223>	primer H	
<400> catgto	10 stact getaetteae atgga	25

. . .